

Avviso di selezione (L.P. 2021-29149), con valutazione curricula e colloquio, per conferimento di un incarico a rapporto libero professionale a esperto biologo per u.o.c. anatomia e istologia patologica dell'ospedale di Treviso

QUESITI PREDISPOSTI DALLA COMMISSIONE ESTRATTI A SORTE DAI CANDIDATI:

- QUESITO N. 1: Oncologia di precisione e terapie a bersaglio molecolare.
- QUESITO N. 2: Principali marcatori molecolari (diagnostici prognostici e predittivi) nell'adenocarcinoma del colon retto.
- QUESITO N. 3: Principali marcatori molecolari (diagnostici prognostici e predittivi) nel NSCLC (adenocarcinoma del polmone non a piccole cellule).
- QUESITO N. 4: Principali marcatori molecolari (diagnostici prognostici e predittivi) nel melanoma.
- QUESITO N. 5: Tecniche molecolari per lo studio di geni di fusione.
- QUESITO N. 6: Biopsia liquida: definizione e principali applicazioni in oncologia.
- QUESITO N. 7: Principali marcatori molecolari (diagnostici prognostici e predittivi) nel carcinoma della mammella.
- QUESITO N. 8: Test per la determinazione dell'instabilità dei microsatelliti e suo valore predittivo in oncologia.

La commissione integra il colloquio con ulteriori quesiti di approfondimento sottoponendo ai candidati le seguenti tabelle estrapolate dall'analisi bioinformatica di un sequenziamento NGS:

Metriche								
Media	20% Media Cov	Uniformità	Reads Grezze	Reads Analizzate	Reads Allineate	Basi Allineate	On-target	Off-target
12117	2423	60.84	1276026	1099910	100.0	100.0	99.98	0.02

Varianti Affidabili									
Gene	Esone	cDNA	Cambio Aminoacidico	rs ID	Effetto	Frequenza Allelica	R	ClinVar	LabClass
PIK3CA	10	c.1033G>A	p.Glu240Lys	rs104680003	missense_variant	19.09%(3410/834)	01 / 18	Pathogenic	None
PDGFR A	14	c.2002G>C	p.Gly668Arg		missense_variant splice_region_variant	91.65%(268/291)	18 / 18		None
EGFR	8	c.748-40G>A		rs4947966	intron_variant	48.66%(20746/19664)	10 / 18		None
EGFR	20	c.2361G>A	p.Gln787Gln	rs1050171	synonymous_variant	99.72%(50/1777)	15 / 18	Benign	None
RET	15	c.2077T>C	p.Phe893Leu		missense_variant	15.92%(1022/3072)	18 / 18		None
KRAS	2	c.35G>A	p.Gly12Asp	rs121913529	missense_variant	34.42%(2039/1070)	02 / 18	Pathogenic	None

Regioni con coverage <500							
Amplicone	Cromosoma	Posizione di Start	Posizione di Stop	Dimensione	Media	Min	Max
PIK3CA_ex2_M1-K51	chr3	178916614	178916635	22	0	0	0
NRAS_ex4_R97-R102	chr1	115252350	115252450	101	432	429	434
RET_ex10_R587-D624	chr10	43609005	43609099	94	74	73	76
PIK3CA_ex3_G118-F139	chr3	178917411	178917438	28	6	0	185
IDH1_ex4_K81-I117	chr2	209113193	209113264	72	227	225	231